



Protocolo de aislamiento de ADN de aspirado de médula ósea (AMO) humana congelado Bionano Prep SP-G2

NÚMERO DE DOCUMENTO:

CG-00007-3

REVISIÓN DEL DOCUMENTO:

C

Fecha de entrada en vigor: 07/30/2024

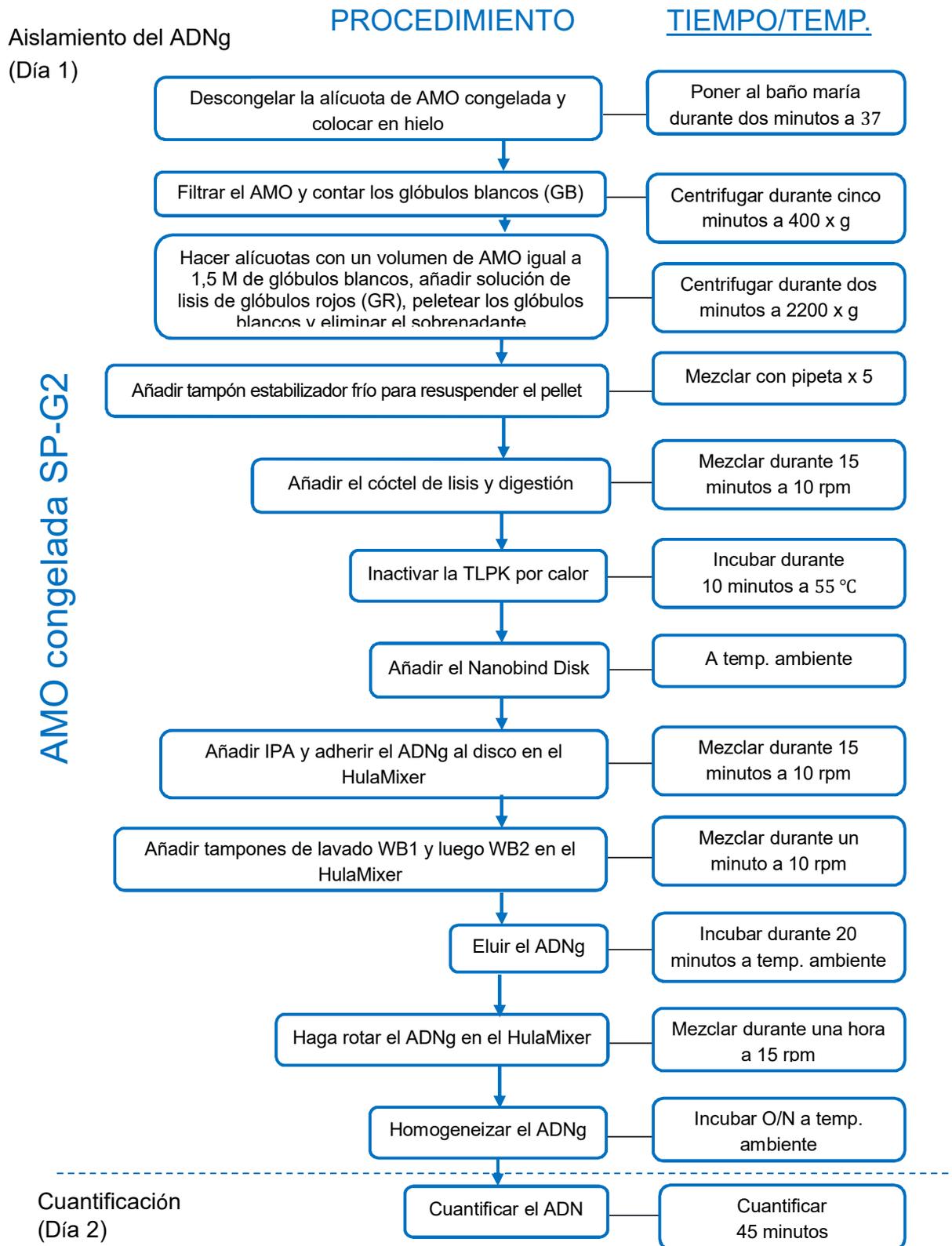
Índice

Historial de revisiones	3
Resumen del flujo de trabajo.....	4
Kit de aislamiento de ADN en AMO humana congelado Bionano Prep SP-G2 y materiales suministrados por el usuario.....	5
Contenido del Kit de aislamiento de ADN en sangre y cultivo celular Bionano Prep SP-G2	5
Bionano Prep SP-G2 complemento para AMO (P/N 80062, 12 reacciones).....	6
Equipo y materiales suministrados por el usuario	6
Introducción y notas importantes.....	8
Introducción.....	8
Visión general.....	8
Notas importantes	8
Protocolo Bionano de aislamiento de ADN de AMO humana congelado Bionano Prep SP-G2.....	12
Preparación para el aislamiento de ADNg (30 minutos).....	12
Homogeneización de la solución de ADNg (70 minutos).....	22
Cuantificación del ADNg (45 minutos).....	23
Asistencia técnica	25
Aviso legal.....	26
Uso exclusivo para fines de investigación. No debe utilizarse en procedimientos de diagnóstico.	26
Patentes	26
Marcas comerciales.....	26

Historial de revisiones

REVISIÓN	NOTAS
A	Lanzamiento comercial.
B	Cambios generales de formato para la publicación.
C	Actualizaciones de formato.

Resumen del flujo de trabajo



Kit de aislamiento de ADN en AMO humana congelado Bionano Prep SP-G2 y materiales suministrados por el usuario

Contenido del Kit de aislamiento de ADN en sangre y cultivo celular Bionano Prep SP-G2 (P/N 80060, 12 reacciones)

Artículo	Cantidad	Número de referencia	Almacenamiento
Solución de lisis de GR	18 ml	20442	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Tampón celular	50 ml	20374	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Potenciador de digestión	4,0 ml	20443	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Tampón de lisis y unión (LBB)*	1,2 ml	20444	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Tampón de lavado 1 (WB1)*	4,5 ml	20445	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Tampón de lavado 2 (WB2)	6,0 ml	20446	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Tampón de elución (EB)	1,1 ml	20378	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Detergente DE	55 µl	20447	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Nanobind Disks de 4 mm	12 unidades	20448	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Tubos Protein LoBind de 1,5 ml	2 x 12 unidades	20449	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Tubos Protein LoBind de 0,5 ml	12 unidades	20450	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Recuperador magnético con funda de plástico (Magnetic Retriever Plastic Sheath)	12 unidades	20451	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Tubos de 2 ml	1 x 12 unidades	20452	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Estabilizador de ADN	350 µl	20423	Temperatura ambiente (15-30 °C)
RNasa A**	150 µl	20455	Refrigerar (2-8 °C)
Agua ultrapura	2 x 900 µl	20355	Refrigerar (2-8 °C)
Proteinasa K termolábil (TLPK)	150 µl	20441	Congelar (-15 °C a -25 °C)

*Véase la sección «Notas importantes» para obtener información sobre residuos peligrosos.

**No se utiliza en este protocolo.

Bionano Prep SP-G2 complemento para AMO (P/N 80062, 12 reacciones)

Artículo	Cantidad	Número de referencia	Almacenamiento
Filtro para AMO	24 unidades	20464	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Tubos de 2 ml	2 x 12 unidades	20452	Temperatura ambiente (15-30 °C)
Estabilizador de ADN	4 ml	20398	Temperatura ambiente (15-30 °C)

Equipo y materiales suministrados por el usuario

Artículo	Proveedor	N.º de catálogo
Día 1- Peleting, aislamiento y homogeneización del ADNg		
Recuperador magnético Bionano Prep SP (paquete de 2)	Bionano Genomics (Kit de formación)	80031
Analizador de GB HemoCue	Fisher Scientific (para EE. UU.) Distribuidor (<u>fuera de EE. UU.</u>)	22-601-017
Microcubetas HemoCue	Fisher Scientific	22-601-018
Gradilla de tubos magnética DynaMag-2	Thermo Fisher	12321D
Mezclador de muestras HulaMixer	Thermo Fisher	15920D
Tubos de 2,0 ml, sin nucleasas	Fisher Scientific o equivalente	05-408-138
Tubos de 5,0 ml, sin nucleasas	Thomas Scientific o equivalente	1201T80
Etanol ultrapuro, grado de biología molecular	Sigma-Aldrich	E7023
Isopropanol (IPA), ≥ 99,5 %, grado de biología molecular	Fisher Scientific	A461-212
Lejía para eliminación de sangre	Proveedor general de suministros del laboratorio	
Tubos de centrifuga cónicos, 50 ml, PP	Thermo Fisher o equivalente	14-432-22
Centrífuga con rotor para tubos de 1,5 ml	Cole-Parmer o equivalente	EW-17701-11
Baño de agua a 37 °C	Proveedor general de suministros del laboratorio	
Cubo de hielo y hielo	Proveedor general de suministros del laboratorio	
Termomezclador o Thermomixer, 55 °C	Eppendorf o equivalente	5382000023
Parafilm	Proveedor general de suministros del laboratorio	
Pinzas puntiagudas	Electron Microscopy Sciences o equivalente	78141-01

Artículo	Proveedor	N.º de catálogo
Puntas de pipeta de calibre ancho, con filtro, aerosol, 200 µl	VWR o equivalente a Rainin	46620-642
Puntas extralargas con filtro de 1000 µl, estériles	VWR o equivalente	76322-154
Pipetas (10, 20, 200 y 1000 µl) y puntas de pipeta con filtro, sin nucleasas	Proveedor general de suministros del laboratorio	
Bloque refrigerador de aluminio para 1,5 ml y 2,0 ml (opcional)	Sigma Aldrich o equivalente	Z743497
Día 2: Cuantificación		
Agitador vórtex	VWR o equivalente	10153-838
Baño ultrasónico	Proveedor general de suministros del laboratorio	
Tubo cónico de 15 ml	Fisher Scientific	05-539-12
Fluorímetro, Qubit	Thermo Fisher o equivalente	Q33216
Kit de ensayo Qubit dsDNA BR	Thermo Fisher o equivalente	Q32853
Tubos Qubit	Thermo Fisher	Q32856
Pipeta de desplazamiento positivo MR-10 (opcional)	Rainin o equivalente	17008575
Puntas de pipeta, 10 µl, C-10 para pipeta despl. pos. (opcional)	Rainin o equivalente	17008604

Introducción y notas importantes

Introducción

Este Protocolo de aislamiento de ADN de aspirado de médula ósea (AMO) humana congelada Bionano Prep® SP-G2 puede proporcionar ADN genómico (ADNg) de ultra alto peso molecular (UHMW) en aproximadamente cinco horas a partir de 1,5 millones de glóbulos blancos de AMO humana congelada. Utiliza un procedimiento mejorado de lisado, unión, lavado y elución, habitual en las tecnologías de extracción de ADNg basadas en sílice, en combinación con un novedoso disco paramagnético. A diferencia de las perlas magnéticas y las columnas de sílice, que cortan el ADNg de gran tamaño, el Nanobind Disk se une y libera el ADNg con una fragmentación significativamente menor, lo que da como resultado un ADNg de UHMW. La alta capacidad de unión del ADNg es el resultado de una nueva sílice nanoestructurada en el exterior del disco paramagnético termoplástico. Este protocolo se ha evaluado con el procesamiento de varios aspirados de médula ósea. El aspirado de médula ósea del donante se extrajo en un tubo de heparina, se congeló y, a continuación, se procesó sin ciclos adicionales de congelación/descongelación. El ADNg preparado mediante este protocolo se ha validado únicamente con marcaje directo y tinción (DLS). Consulte el [vídeo de formación](#) para conocer los pasos técnicos críticos y la resolución de problemas. El flujo de trabajo actual está configurado de manera que se pueden procesar cómodamente hasta 6 AMO en una jornada laboral normal.

Visión general

La lisis celular y la digestión con proteinasa K termolábil se producen en un tampón caotrópico y el ADNg liberado se une al Nanobind Disk al añadir isopropanol. Después de tres pasos de lavado, el disco se transfiere a un tubo nuevo y el ADNg se eluye del disco. El ADNg de UHMW recuperado se somete a una fragmentación controlada para hacer el ADNg de UHMW más homogéneo. A continuación, el ADNg se mezcla y se atempera durante la noche a temperatura ambiente para facilitar la homogeneidad del ADN y finalmente se determina la concentración. El intervalo característico de tamaño del ADNg es de 50 Kbp a ≥ 1 Mbp.

Notas importantes

HOMOGENEIDAD DEL ADN

El ADNg recuperado se somete a mezcla con pipeta utilizando una punta de pipeta estándar de 200 μ l para aumentar la homogeneidad, lo que garantiza un muestreo de ADN uniforme para el marcaje.

CUANTIFICACIÓN DEL ADNg

La cuantificación del ADNg se utiliza para medir la concentración y sirve como indicador de la homogeneidad del ADNg de UHMW. Es preferible la cuantificación Qubit a otros métodos de cuantificación, ya que también se puede usar para medir la concentración de ADNg de la reacción de marcaje. El análisis de dsDNA de rango amplio (BR) Qubit mide la concentración de ADNg después del aislamiento, mientras que el análisis de dsDNA de alta sensibilidad (HS) mide la concentración de ADNg después del marcaje.

Para medir la homogeneidad del ADNg es esencial medir la concentración de ADNg en múltiples posiciones en la solución. Dado que el ADNg viscoso es difícil de pipetear, siga las directrices de la sección **Notas importantes**

para efectuar un pipeteo preciso. Los análisis estándar para la cuantificación de la concentración de ADNg no proporcionarán mediciones precisas de ADNg largo debido a su naturaleza viscosa.

- Para una cuantificación precisa, se necesita sonicar el ADNg a cuantificar.
- La concentración normal de ADNg es de 45-120 ng/μl.

PIPETEO DE ADNg VISCOSO

Para extraer el ADNg viscoso, sujete el tubo de la solución madre o stock para visualizarlo de cerca, presione el émbolo de la pipeta hasta el primer tope, sumerja la punta de la pipeta y suelte suave y lentamente el émbolo para comenzar a aspirar el ADNg viscoso con la punta mientras controla cuidadosamente la absorción. Mantenga la punta sumergida incluso después de que la solución viscosa deje de moverse hacia arriba y se nivele. Sea paciente. El ADNg viscoso puede tardar varios segundos en llenar un volumen de 2 μl. Si suelta el émbolo demasiado rápido se podría formar una burbuja en la punta, lo cual derivaría en una muestra insuficiente (comience de nuevo si esto ocurre). Una vez que la solución presente en la punta se haya nivelado y mientras la punta todavía se encuentre sumergida en la solución de ADNg, raspe la punta contra el fondo del tubo de tres a cinco veces realizando un movimiento circular. Extraiga la punta de la solución de ADNg e inspecciónela visualmente para confirmar que esté llena hasta 2 μl. Si se retira la punta de la pipeta de la solución de ADNg demasiado rápido, o se raspa ineficazmente la punta para romper las hebras de ADNg, también puede formarse una burbuja en la parte superior de la punta de la pipeta que indique un muestreo insuficiente (vuelva a empezar el proceso si eso ocurre).

MANIPULACIÓN DEL ADNg

- La mezcla del ADNg recuperado (después de los pasos de homogeneización) se realiza siempre con una punta de pipeta de diámetro ancho para evitar la fragmentación.
- El ADNg recuperado nunca debe congelarse ni agitarse en vórtex.
- Durante un almacenamiento prolongado, el ADNg puede perder la homogeneidad.
- El pipeteo del ADNg recuperado para un muestreo preciso se realiza siempre con una punta de calibre estándar o una pipeta de desplazamiento positivo.

CARACTERÍSTICAS DEL ADNg DE ALTA CALIDAD PARA EL MAPEO DE BIONANO

- Una solución transparente de ADNg es ideal, pero una solución poco transparente no siempre se correlaciona con una mala calidad de la muestra.
- El ADNg recuperado en la solución es viscoso.
- La presencia de ADNg de tamaño megabase se mide mediante electroforesis en gel de campo pulsado (PFGE).
- El ADNg recuperado es homogéneo según lo medido con el ensayo de cuantificación de ADNg Qubit con un coeficiente de variación (CV) $\leq 0,30$ (recomendado).

USO DEL RECUPERADOR MAGNÉTICO BIONANO PREP SP

1. Sostenga una funda de plástico por los lados cerca de la parte superior e inserte el recuperador magnético Bionano Prep SP en la funda colocándolo de manera que quede asentado en la parte inferior de la funda.
2. Inserte el recuperador enfundado en un tubo Protein LoBind de 1,5 ml para atraer el Nanobind Disk al recuperador en la funda.

3. Levante con cuidado el recuperador enfundado con el disco fijado fuera del tubo e introduzca el recuperador enfundado en un tubo Protein LoBind de 0,5 ml hasta que el disco encaje suavemente en el fondo del tubo.
4. Sosteniendo la funda por el lado cercano a la parte superior, tire del recuperador hacia arriba con una mano hasta que el Nanobind Disk se disocie de la funda y quede en el tubo Protein LoBind de 0,5 ml.
5. Cambie la funda para cada muestra nueva.

TAMAÑO DE LA TANDA Y RECuento DE GLÓBULOS BLANCOS

Se recomienda procesar un máximo de seis muestras a la vez y hasta dos tandas por día laborable. Se requiere una lectura mínima de HemoCue de $2,5E+9$ células/L.

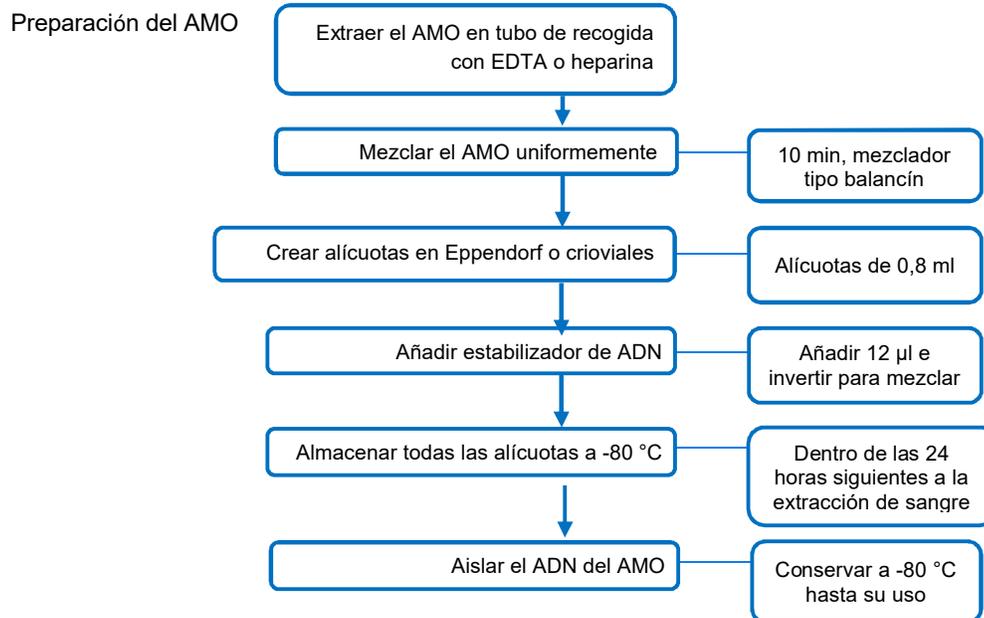
ELIMINACIÓN DE RESIDUOS PELIGROSOS

Los tampones Digestion Enhancer, LBB y WB1 contienen clorhidrato de guanidina (GuHCl). El GuHCl es dañino si se ingiere o inhala y causa irritación de la piel y los ojos. NO lo mezcle con lejía o reactivos ácidos. Los residuos líquidos que contienen GuHCl deben descontaminarse de manera segura con un desinfectante de amonio cuaternario antes de eliminarlos en una corriente de residuos peligrosos. Recomendamos utilizar lejía para la descontaminación del sobrenadante del granulado y seguir la normativa local en materia de medio ambiente, salud y seguridad para la descontaminación y eliminación de todas las soluciones mezcladas con GuHCl.

CONGELACIÓN DE ASPIRADOS DE MÉDULA ÓSEA (AMO) HUMANA FRESCOS HEPARINIZADOS PARA SU ALMACENAMIENTO CON ESTABILIZADOR DE ADN

El contenido de ADN_g se obtiene a partir de los glóbulos blancos. El aporte recomendado es de $1,5E+06$ GB. Para cada muestra de AMO, deben congelarse (-80 °C) dos alícuotas de AMO heparinizadas (~0,8 ml cada una) en tubos separados y almacenarse sin descongelar hasta que se aisle el ADN_g. Por lo general, solo se requerirá una alícuota para este protocolo, y la segunda servirá como reserva. Las muestras deben congelarse en las 24 horas posteriores a la aspiración y mantenerse a 4 °C hasta que se congelen a -80 °C.

PROCEDIMIENTO



1. Mezcle bien el AMO humana heparinizado fresco a temperatura ambiente para garantizar una buena uniformidad (10 minutos en el mezclador tipo balancín a temperatura ambiente).
2. Procese un AMO cada vez y transfiera dos alícuotas de 0,8 ml a tubos de 1,5 ml sin nucleasas.
3. Añada 12 µl de Estabilizador de ADN a cada tubo que contenga el volumen de 0,8 ml de AMO humana fresco.
4. Tape los tubos, invírtalos 10 veces para mezclar. Dé un golpe de centrifuga de 1 segundo a los tubos para recoger el material restante en la tapa del tubo y traslade inmediatamente las alícuotas a -80 °C para su almacenamiento a largo plazo.
5. No descongele la alícuota de -80 °C hasta que proceda al aislamiento del ADNg.

Protocolo Bionano de aislamiento de ADN de AMO humana congelado Bionano Prep SP-G2

Preparación para el aislamiento de ADNg (30 minutos)

ANTES DEL PRIMER USO

1. Añada etanol al 100 % a los tampones de lavado (WB1 y WB2) y mezcle bien:
 - a. Añada 6,75 ml de etanol al 100 % al tampón de lavado 1 (WB1) para obtener un volumen final de 11,25 ml.
 - b. Añada 9,00 ml de etanol al 100 % al tampón de lavado 2 (WB2) para obtener un volumen final de 15,00 ml.

PREPARACIÓN

1. Reúna los materiales y verifique el equipo (consulte la sección anterior «Material suministrado por el usuario»):
 - a. Prepare el baño maría a 37 °C. Compruebe la temperatura con un termómetro.
 - b. Pipetas y puntas
 - c. Prepare tiras de Parafilm (~ 2 cm) para HemoCue; prepare microcubetas y el [sistema HemoCue](#).
 - d. Cubo para hielo y hielo
 - e. Verifique que la velocidad de centrifugado de la microcentrífuga sea de 400 x g, cinco minutos a temperatura ambiente para el centrifugado de filtración de AMO.
 - f. Para la eliminación de residuos, prepare:
 - Un tubo cónico de 50 ml con 5 ml de lejía + 20 ml de agua; invierta varias veces para mezclar.
 - Un tubo cónico de 50 ml designado para los residuos líquidos de GuHCl (eliminados como residuos peligrosos según la normativa local en materia de medio ambiente, salud y seguridad)
 - g. Mezclador de muestras HulaMixer
 - h. Isopropanol 100 %
 - i. Gradilla de tubos magnética DynaMag-2
 - j. Recuperador magnético Bionano Prep SP (Bionano Prep SP Magnetic Retriever)
 - k. Configure un Thermomixer a 55 °C, 10 minutos, sin agitación.
 - l. Pinzas puntiagudas
 - m. Etiquete un tubo de 2,0 ml para un tamaño de tanda de tres o menos muestras o un tubo de 5,0 ml para un tamaño de tanda de cuatro a seis muestras para la Cocktail Master Mix de lisis y digestión.
2. Reúna los siguientes reactivos y materiales del kit SP-G2: Filtros AMO (100 µm), solución de lisis de glóbulos rojos, tampón celular, estabilizador de ADN, potenciador de digestión, detergente DE, agua ultrapura, Nanobind Disk, tubos de microcentrífuga, funda, LBB, WB1, WB2 y EB.

- a. Para cada muestra, prepare 50 µl de tampón estabilizador (SB) mezclando 49 µl de tampón celular con 1 µl de estabilizador de ADN. Multiplique por el número de reacciones si el número de muestras es superior a uno. Agite en vórtex para mezclar y coloque en hielo.
 - b. Para cada muestra, etiquete un tubo Protein LoBind Tube (Bionano) de 0,5 ml y un tubo Protein LoBind Tube (Bionano) de 1,5 ml. Coloque los tubos Protein LoBind de 1,5 ml en hielo.
 - c. Por cada muestra, etiquete dos tubos de 2,0 ml (Bionano) para el paso de filtración del AMO. Introduzca un filtro de AMO de 100 µm en cada tubo de 2,0 ml. Coloque los dos tubos, con los insertos de filtro de AMO colocados, en una gradilla a temperatura ambiente.
 - d. Por cada muestra, etiquete un tubo de 2,0 ml (Bionano) para el paso de homogeneización del ADNg. Colóquelo en una gradilla a temperatura ambiente.
3. Prepare la Cocktail Master Mix de lisis y digestión en un tubo de 2,0 ml para tandas de tres o menos muestras o en un tubo de 5,0 ml para tandas de cuatro a seis muestras. Prepare la Master Mix siguiendo el orden de adición de componentes indicado en la **Tabla 1**. Tape el tubo, invierta la mezcla 15 veces y coloque el tubo en una gradilla a temperatura ambiente.

NOTA: No utilice vórtex. No añada todavía la TLPK a la Cocktail Master Mix.

Tabla 1. Hoja de trabajo para preparar la Cocktail Master Mix de lisis y digestión

Componente de la Master Mix	Volumen de componentes de la Master Mix (µl)	N.º de muestras	Excedente de la Master Mix	Volumen total de los componentes de la Master Mix = Volumen de componentes de la Master Mix x Número de muestras x Exceso de Master Mix	Orden de adición
Potenciador de digestión	270		1,2		1
Agua sin nucleasas	66,25		1,2		2
LBB*	80		1,2		3
Detergente DE*	3,75		1,2		4
TLPK**	10		1,2		5
Total	430				

*Pipeteo LBB y el Detergente DE lentamente debido a su alta viscosidad y al riesgo de que se formen burbujas.

**Añádalo justo antes de su uso en el Paso 14, en Aislamiento del ADNg.

AISLAMIENTO DEL ADNG (HASTA 3 HORAS Y 45 MINUTOS)

DESCONGELE, FILTRE, CUENTE, HAGA ALÍCUOTAS DE AMO, AÑADA SOLUCIÓN DE LISIS DE GR, PELETEE LOS GB Y ELIMINE EL SOBRENADANTE.

Material de partida recomendado: 1,5E+06 GB

1. Por cada muestra, extraiga una alícuota de 0,8 ml de AMO heparinizada congelada que contenga Estabilizador de ADN del congelador a -80 °C y colóquela en hielo. Descongele hasta seis alícuotas congeladas de AMO en un baño maría a 37 °C durante dos minutos con una gradilla para tubos flotante. Transcurridos dos minutos, retire la(s) alícuota(s) del baño maría y colóquelas en hielo.

NOTA: Si no está seguro de que el estabilizador de ADN se haya añadido a la alícuota de 0,8 ml de AMO heparinizado antes de la congelación, añada 12 µl de estabilizador de ADN al tubo en el momento de la descongelación y continúe con el Paso 2. Si el AMO heparinizado congelado no se encuentra en una alícuota de 0,8 ml con estabilizador de ADN añadido, consulte la Guía de resolución de problemas del kit Bionano Prep SP-G2 y DLS-G2 (P/N 30608).

2. Procesando una muestra cada vez, para un tamaño de tanda no superior a seis muestras:
 - a. Tome una alícuota de AMO del hielo e inviértala 10 veces para mezclarla. Dé un golpe de centrifuga de un segundo para recoger el material de la tapa del tubo. Coloque la muestra en hielo.
 - b. Por cada muestra de AMO descongelada, transfiera 400 µl a dos filtros de AMO separados (divida en dos mitades todo el volumen de AMO), cada uno colocado en un tubo de 2,0 ml etiquetado.
 - c. Coloque con cuidado los tubos con los filtros colocados en la microcentrífuga y centrifugue a temperatura ambiente durante cinco minutos a 400 x g.
NOTA: Oriente los tubos con los filtros de forma que las tapas de los tubos queden orientadas hacia el centro del rotor.
 - d. Retire con cuidado los tubos de la microcentrífuga.
 - e. Retire y deseche los filtros en un contenedor para residuos biológicos peligrosos. Tape los tubos y colóquelos en hielo.
 - f. Mezcle los dos volúmenes de muestra filtrada en cualquiera de los tubos de 2,0 ml después de mezclar suavemente 10 veces con una pipeta P1000 (para evitar burbujas) todo el volumen de muestra filtrada en cada tubo. Tape el tubo de muestra de AMO filtrado y combinado y colóquelo en hielo. Deseche el tubo de 2,0 ml restante.
3. Procesando una muestra de AMO filtrada y combinada cada vez, para un tamaño de tanda no superior a seis muestras:
 - a. Invierta la muestra de AMO 10 veces para mezclarla. Dé un golpe de centrifuga de un segundo para recoger el material de la tapa del tubo. Dispense inmediatamente 20 µl sobre Parafilm y utilice la cubeta HemoCue para medir los GB. Coloque la muestra en hielo.

- b. Registre el ID de la muestra y la lectura HemoCue (en E+03 células/μl) en la **Tabla 2**.

NOTA: Si la concentración de GB del AMO filtrado y combinado es demasiado alta (> 30E+09 células/L) y queda fuera del rango de detección, la pantalla del instrumento HemoCue mostrará «HHH».

Normalmente, los AMO que arrojan una concentración HemoCue de «HHH» pueden diluirse en tampón celular y luego recontarse para determinar con precisión la concentración de GB (ver abajo).

- i. Invierta la muestra de AMO 10 veces para mezclarla. Dé un golpe de centrifuga de un segundo para recoger el material de la tapa del tubo. Colóquela en hielo.
 - ii. Transfiera de inmediato 25 μl de la muestra de AMO a un tubo de 1,5 ml que contenga 75 μl de tampón celular (para hacer una dilución 1:4 de la muestra de AMO).
 - iii. Mezcle suavemente con una pipeta todo el volumen 10 veces usando una punta de calibre estándar de 200 μl. Dé un golpe de centrifuga de dos segundos.
 - iv. Dispense inmediatamente 20 μl sobre Parafilm y utilice la cubeta HemoCue para medir los GB.
 - v. Efectúe los siguientes cálculos y registre los valores en la **Tabla 2**.
 - Lectura de HemoCue = Recuento de GB (tras dilución con tampón celular) x DF (=4)
- c. Para cada muestra, realice los siguientes cálculos y registre los valores en la **Tabla 2**.

- Volumen de transferencia (μl) = $1,5E+06 \text{ células} \div \text{Lectura HemoCue en E+03 células/}\mu\text{l}$
- Volumen de solución de lisis de GR (μl) = Volumen de transferencia x 3 (μl)
- Volumen de extracción 1 (μl) = Volumen de solución lisis de GR (μl)
- Volumen de extracción 2 (μl) = Volumen de transferencia - 40 μl; o
- Si se divide el AMO filtrado en dos tubos de 1,5 ml para los pasos de lisis de GR debido a una lectura baja de HemoCue ($\leq 2,5E+09 \text{ células/L}$): Volumen de extracción 2 (μl) = Volumen de transferencia - 10 μl

NOTA: El HemoCue da lecturas en E+09 células/L, pero el cálculo se basa en E+03 células/μl para transferir 1,5E+06 GB en un tubo Protein LoBind de 1,5 ml previamente enfriado.

Ejemplo de cálculos de muestra:

- i. **Utilice un único tubo Protein LoBind de 1,5 ml cuando la lectura HemoCue $\geq 5,0E+09$ células/L (5,0E+03 células/μl). Por ejemplo, lectura HemoCue = 7,5E+09 células/L (7,5E+03 células/μl)**
 - Volumen de transferencia (μl) = $1,5E+06 \text{ células} \div 7,5E+03 \text{ células/}\mu\text{l} = 200 \mu\text{l}$
 - Volumen de solución de lisis de GR (μl) = $200 \mu\text{l} \times 3 = 600 \mu\text{l}$
 - Volumen de extracción 1 (μl) = Volumen de solución de lisis de GR = 600 μl
 - Volumen de extracción 2 (μl) = Volumen de transferencia - 40 μl = 160 μl
- ii. **Utilice dos tubos Protein LoBind de 1,5 ml cuando 2,5E+09 células/L sea \leq a la lectura HemoCue $<5,0E+09$ células/L. Por ejemplo, lectura HemoCue = 2,5E+09 células/L (2,5E+03 células/μl).**
 - Volumen de transferencia (μl) = $1,5E+06 \text{ células} \div 2,5E+03 \text{ células/}\mu\text{l} = 600 \mu\text{l}$
 - Transfiera 300 μl a cada uno de los tubos Protein LoBind de 1,5 ml.
 - Volumen de solución de lisis de GR (μl) para cada tubo = $300 \mu\text{l} \times 3 = 900 \mu\text{l}$
 - Volumen de extracción 1 (μl) = Volumen de solución de lisis de GR = 900 μl

- Volumen de extracción 2 (µl) = Volumen de transferencia - 10 µl = 290 µl

Tabla 2. Hoja de trabajo para muestras de AMO congelado

ID de la muestra	Lectura HemoCue*	Volumen de transferencia	Volumen de solución de lisis de GR	Si la lectura HemoCue $\geq 5,0E+09$ células/L (Un tubo de 1,5 ml para lisis de GR)		Si $2,5E+09$ células/L \leq Lectura HemoCue $< 5,0E+09$ células/L (Dos tubos de 1,5 ml para la lisis de GR)	
	(E+03 células/µl)	(1,5 E+06 células ÷ Lectura HemoCue)		Volumen de extracción 1 = Volumen de solución de lisis de GR	Volumen de extracción 2 = Volumen de transferencia -40 µl	Volumen de extracción 1 = Volumen de solución de lisis de GR	Volumen de extracción 2 = Volumen de transferencia -10 µl
		µl	µl	µl	µl	µl	µl
		µl	µl	µl	µl	µl	µl
		µl	µl	µl	µl	µl	µl
		µl	µl	µl	µl	µl	µl
		µl	µl	µl	µl	µl	µl
		µl	µl	µl	µl	µl	µl

*Multiplique por DF (=4) si utiliza tampón celular para diluir la muestra de AMO debido a un recuento elevado de GB (HemoCue muestra HHH, aislamiento de ADNg, Paso 3.b.).

- Procese una muestra cada vez:
 - Invierta la muestra de AMO 10 veces para mezclarla. Dé un golpe de centrifuga de 1 segundo para recoger el material de la tapa del tubo. Coloque la muestra en hielo.
 - Transfiera el [Volumen de transferencia] calculado al tubo Protein LoBind de 1,5 ml previamente etiquetado y enfriado. Tape el tubo y colóquelo en hielo. Cambie las puntas entre una muestra y otra.
NOTA: Si el volumen de transferencia está entre 300 y 600 µl, repártalo en dos tubos Protein LoBind de 1,5 ml.
- Añada a cada muestra el [volumen de la solución de lisis de GR], calculado en la **Tabla 2**. Tape el tubo y déjelo a temperatura ambiente.
- Invierta la muestra 10 veces para mezclarla. Incube la muestra a temperatura ambiente durante cinco minutos.
- Tras la incubación, invierta la muestra 10 veces para mezclarla.
- Centrifugue la muestra equilibrada durante dos minutos a 2200 x g a temperatura ambiente.
NOTA: Es útil alinear la bisagra del tubo con el borde exterior de la centrifuga, para que el pellet se localice siempre en el mismo lado.

9. Durante la centrifugación para peletear los glóbulos blancos, tome la TLPK almacenada a -20°C y colóquela en hielo. Deseche cualquier resto de sangre no utilizada en el contenedor de residuos con lejía y coloque el tubo de alícuota vacío en la bolsa de residuos biológicos peligrosos.
10. Retire la muestra de la centrífuga después de la centrifugación. Inspeccione el fondo del tubo para visualizar el pellet de GB y anote su ubicación. Coloque la muestra en hielo.
11. Tras de la centrifugación, elimine el sobrenadante de cada tubo de muestra de la siguiente manera:
 - a. Con una punta de pipeta extralarga con filtro de $1000\ \mu\text{l}$, extraiga de cada tubo el volumen de sobrenadante equivalente al Volumen de extracción 1 [Volumen de solución de lisis de GR] (aspire desde la parte superior del líquido). Deseche el sobrenadante en el tubo cónico con lejía. Tape el tubo y coloque la muestra en hielo. El volumen restante de sobrenadante debería ser el [Volumen de transferencia].

NOTA: Si el Volumen de extracción 1 es $> 1000\ \mu\text{l}$, cambie las puntas entre una pasada y otra.
 - b. Con una P200, extraiga el volumen de sobrenadante igual a [Volumen de extracción 2] de cada tubo. Aspire desde el menisco sin alterar el pellet. Deseche el sobrenadante en el tubo cónico con lejía. Tape el tubo y coloque la muestra en hielo. Una vez eliminado el sobrenadante, deben quedar aproximadamente $40\ \mu\text{l}$ (o $10\ \mu\text{l}$ en dos tubos de $1,5\ \text{ml}$) de sobrenadante, incluido el pellet de GB.

NOTA: Si el Volumen de extracción 2 es $>200\ \mu\text{l}$, cambie las puntas entre una pasada y otra.

RESUSPENDA, LISE/DIGIERA LOS GLÓBULOS BLANCOS E INACTIVE LA PROTEINASA K TERMOLÁBIL

12. Para cada muestra, añada $20\ \mu\text{l}$ de estabilizador de ADN frío sobre los $\sim 40\ \mu\text{l}$ (o $\sim 10\ \mu\text{l}$ para dos tubos de $1,5\ \text{ml}$) que contienen el sobrenadante y el pellet de GB.
13. Procesando las muestras una a una, utilice una punta de pipeta de calibre estándar de $200\ \mu\text{l}$ para rascar suavemente el pellet siguiendo un patrón circular de tres a cinco veces para liberarlo a la solución. A continuación, con la misma punta, mezcle pipeteando lentamente la muestra cinco veces para resuspender el pellet. Coloque la muestra en hielo. Combine las dos suspensiones si se han utilizado dos tubos Protein LoBind de $1,5\ \text{ml}$ para la lisis de GR. Coloque la suspensión combinada en hielo. Cambie las puntas entre una muestra y otra.

NOTA: Aspire todo el volumen de la muestra en la punta e inspeccione visualmente el tubo mientras lo mezcla para comprobar que el pellet se resuspende por completo, de forma que al terminar de mezclar no quede ningún pellet visible en el lateral del tubo. Evite generar burbujas.
14. Dé un golpecito al tubo de TLPK tres veces y dé un golpe de centrífuga de dos segundos. Añada el volumen de TLPK calculado para el tamaño de la tanda en la **Tabla 1** a la Cocktail Master Mix de lisis y digestión para obtener la Cocktail Master Mix de lisis y digestión completa. Tape e invierta la Master Mix 15 veces para mezclarla y colóquela de nuevo en la gradilla a temperatura ambiente. Coloque la TLPK en hielo.

NOTA: No utilice vórtex. A partir de este paso, la muestra se manipulará a temperatura ambiente.

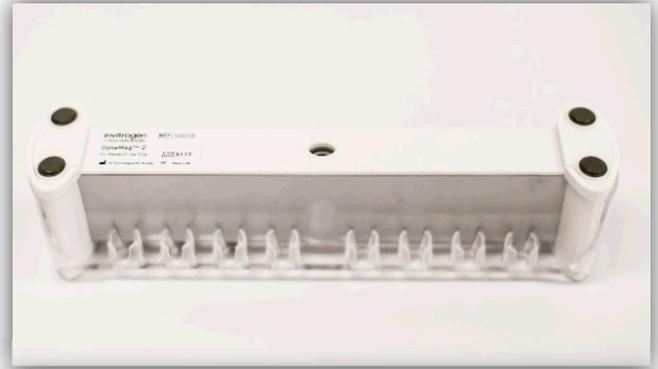
15. Añada 430 µl de Cocktail Master Mix de lisis y digestión completa a cada muestra. Tape el tubo. Cambie las puntas entre una muestra y otra.
16. Invierta cada muestra 15 veces para mezclar.
17. Coloque la muestra en el HulaMixer durante 15 minutos a temperatura ambiente a 10 rpm, sin agitación ni vibración.
18. Durante la rotación, guarde de nuevo la TLPK a -20 °C. Deseche cualquier resto de Cocktail Master Mix de lisis y digestión (con TLPK) no utilizado en el tubo cónico de 50 ml para residuos líquidos de GuHCl. Llene el tubo cónico con lejía con agua hasta 50 ml, tape el tubo, invierta para mezclar y deseche el contenido por el desagüe.
19. Retire la muestra del HulaMixer y dé un golpe de centrifuga de dos segundos.
20. Incube la muestra en un Thermomixer preconfigurado a 55 °C durante 10 minutos, sin agitación.
21. Retire la muestra del Thermomixer y apáguelo.

ADHESIÓN, LAVADO Y ELUCIÓN DEL ADN_g

22. Con unas pinzas puntiagudas, añada con cuidado un único Nanobind Disk de 4 mm al lisado.
NOTA: A veces, los discos pueden adherirse entre sí.
23. Añada 480 µl de IPA al 100 % a cada muestra.
24. Invierta cada muestra cinco veces para mezclarla.
25. Colocar la muestra en el HulaMixer durante 15 minutos a temperatura ambiente a 10 rpm, sin agitación ni vibración.
NOTA: Asegúrese de que el Nanobind Disk no permanezca en la tapa del tubo durante las rotaciones iniciales. De lo contrario, apague el rotador e invierta el tubo hasta que el Nanobind Disk regrese a la solución. Vuelva a colocar el tubo en el HulaMixer y reanude la mezcla.
26. Retire la muestra del HulaMixer.
27. Combine la gradilla transparente Dynamag con la base magnética como se indica a continuación, asegurándose de que el Nanobind Disk quede sujeto por el imán cerca de la parte superior del nivel de líquido. De lo contrario, vuelva a montarlo (ver [vídeo de formación](#), 0:50).
 - a. Invierta la gradilla de tubos transparente Dynamag y colóquela boca abajo con las tapas de las muestras tocando la superficie de trabajo. Los tubos estarán en la misma fila de la gradilla, y en la fila más alejada del usuario.



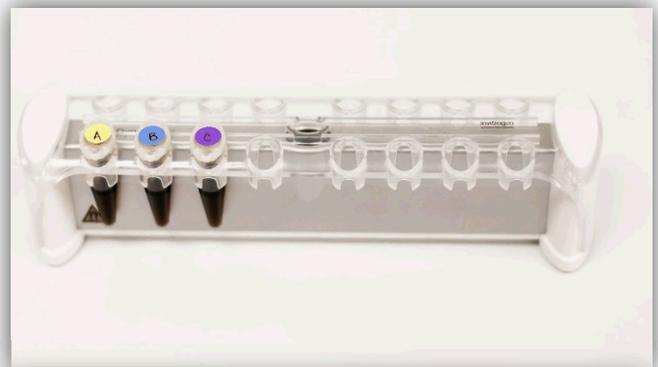
b. Invierta la base magnética Dynamag y bájela sobre la gradilla transparente.



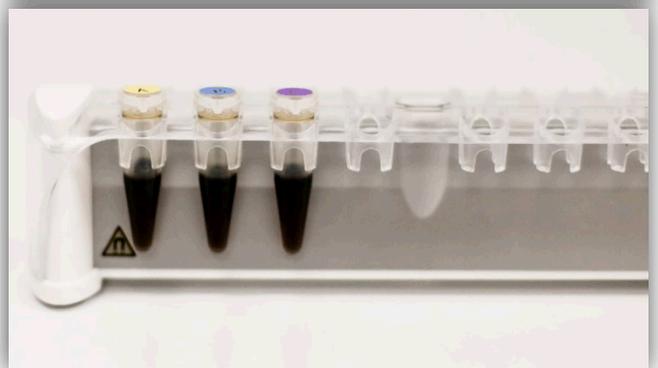
c. Incline lentamente el aparato combinado 90° en sentido horario mientras lo mantiene apoyado sobre la superficie. Los tubos estarán ahora horizontales y serán visibles para el usuario.



d. Incline lentamente el aparato combinado 90° en sentido horario mientras lo mantiene apoyado en la superficie, de modo que quede totalmente vertical y los tubos se orienten hacia delante.



e. Asegúrese de que el Nanobind Disk esté sujeto al imán cerca de la parte superior del nivel de líquido.



28. Prepare una pipeta P1000 en 1000 μ l y una segunda en 700 μ l.

29. Elimine el sobrenadante como se indica a continuación, con cuidado de no aspirar el ADNg y cambiando las puntas entre una muestra y otra (ver [vídeo de formación](#), 1:15):

- a. Inclíne toda la gradilla en un ángulo de 45° sujetándola con una mano (agarre todo el aparato desde abajo con los tubos visibles y las tapas hacia la otra mano del usuario).
- b. Espere 2 segundos a que el ADNg se deposite en el Nanobind Disk.
- c. Elimine suavemente todo el líquido con una punta extralarga de 1000 µl colocada en ángulo alejado del Nanobind Disk o del ADNg para evitar perturbarlo.
- d. Dispense el sobrenadante en el tubo cónico de 50 ml para residuos líquidos de GuHCl.

 Inspeccione visualmente la punta que contiene el tampón antes de desecharla para comprobar que no se ha eliminado el ADNg. Si el ADNg se aspira accidentalmente o se desprende del disco, consulte la *Bionano Prep SP-G2 and DLS-G2 Kit Troubleshooting Guide* (CG-30608).

30. Realice el lavado con WB1:

- a. Dispense 700 µl de tampón WB1 en el tubo y tápelo.
- b. Separe la gradilla transparente de la gradilla Dynamag y transfiera las muestras al HulaMixer.
- c. Haga girar las muestras en el HulaMixer durante un minuto a temperatura ambiente a 10 rpm, sin agitación ni vibración.

NOTA: El Nanobind Disk puede quedar atascado en el lateral, la tapa o el fondo del tubo. Si el Nanobind Disk se atasca en algún punto del tubo, no detenga la rotación del HulaMixer ni intervenga ya que es algo normal.

- d. Retire las muestras del HulaMixer.
- e. Coloque las muestras en la gradilla transparente Dynamag. Invierta y agite suavemente la gradilla transparente Dynamag hasta que el Nanobind Disk de cada muestra no esté adherido a ninguna parte del tubo.
- f. Combine la gradilla de tubos transparente que contiene las muestras con la base magnética, como se describe en los Pasos 27a a 27e.
- g. Extraiga el sobrenadante como se describe en el Paso 29.

 Inspeccione visualmente la punta que contiene el tampón antes de desecharla para comprobar que no se ha eliminado el ADNg. Si el ADNg se aspira accidentalmente o se desprende del disco, consulte la *Bionano Prep SP-G2 and DLS-G2 Kit Troubleshooting Guide* (CG-30608).

31. Prepare la segunda pipeta en 500 µl (anteriormente en 700 µl).

32. Realice el lavado con WB2:

- a. Dispense 500 µl de tampón WB2 en el tubo y tápelo.

- b. Separe la gradilla transparente de la gradilla Dynamag y transfiera las muestras al HulaMixer.
- c. Haga girar las muestras en el HulaMixer durante un minuto a temperatura ambiente a 10 rpm, sin agitación ni vibración.

NOTA: El Nanobind Disk puede quedar atascado en el lateral, la tapa o el fondo del tubo. Si el Nanobind Disk se atasca en algún punto del tubo, no detenga la rotación del HulaMixer ni intervenga ya que es algo normal.

- d. Retire las muestras del HulaMixer.
- e. Coloque las muestras en la gradilla transparente Dynamag. Invierta y agite suavemente la gradilla transparente Dynamag hasta que el Nanobind Disk de cada muestra no esté adherido a ninguna parte del tubo.
- f. Combine la gradilla de tubos transparente que contiene las muestras con la base magnética, como se describe en los Pasos 27a a 27e.
- g. Extraiga el sobrenadante como se describe en el Paso 29.



Inspeccione visualmente la punta que contiene el tampón antes de desecharla para comprobar que no se ha eliminado el ADNg. Si el ADNg se aspira accidentalmente o se desprende del disco, consulte la *Bionano Prep SP-G2 and DLS-G2 Kit Troubleshooting Guide* (CG-30608).

- 33. Repita el lavado WB2, paso 32.
- 34. Después de eliminar el segundo sobrenadante WB2, transfiera las muestras con las tapas abiertas a la gradilla que contiene los tubos Protein LoBind de 0,5 ml previamente etiquetados.
- 35. Introduzca por completo el recuperador magnético Bionano Prep SP en una funda de plástico de recuperador magnético limpia hasta que el recuperador entre en contacto total con el fondo de la funda. Cambie las fundas entre una muestra y otra.
- 36. Introduzca el recuperador magnético Bionano Prep SP enfundado en el tubo Protein LoBind de 1,5 ml y coloque el recuperador enfundado contra el Nanobind Disk hasta que recoja el disco. Sostenga el recuperador magnético Bionano Prep SP enfundado de forma que permanezca en contacto total con la parte inferior de la funda y el Nanobind Disk quede retenido magnéticamente.
- 37. Levante con cuidado el recuperador enfundado con el disco fijado fuera del tubo e introdúzcalo en un tubo Protein LoBind de 0,5 ml hasta que el disco encaje suavemente en el fondo del tubo.

NOTA: Cambie la funda entre una muestra y otra.

ELUCIÓN DEL ADNg

- 38. Añada 65 µl de EB al tubo Protein LoBind de 0,5 ml que contiene el Nanobind Disk y tape el tubo.
- 39. Centrifugue el tubo en la microcentrífuga durante cinco segundos.

40. Con una punta estándar de 10 µl, empuje suavemente el Nanobind Disk hacia el fondo del tubo y compruebe que esté totalmente sumergido en líquido. El disco debe permanecer paralelo a la superficie de la poyata (ver vídeo de formación).
41. Incube el Nanobind Disk sumergido en EB a temperatura ambiente durante 20 minutos.
42. Para recoger el ADNg extraído, transfiera el eluido al tubo de 2,0 ml etiquetado con una punta estándar de 200 µl.
43. Centrifugue el tubo con el Nanobind Disk en la microcentrífuga durante cinco segundos para separar el eluido residual del Nanobind Disk.
44. Transfiera el eluido restante que contiene ADNg viscoso al mismo tubo de 2,0 ml etiquetado con una punta estándar de 200 µl.

NOTA: Casi todo el ADNg viscoso se desprende del Nanobind Disk durante este centrifugado. Dé uno o dos golpes de centrífuga más si el ADNg viscoso se atasca entre el disco y el fondo del tubo Protein LoBind de 0,5 ml.

45. Dé un golpe de centrífuga de dos segundos a las muestras.

Homogeneización de la solución de ADNg (70 minutos)

HOMOGENEIZACIÓN DEL ADNg

46. Pipetee lentamente todo el volumen de ADNg con una punta estándar de 200 µl, luego dispense lentamente el ADNg. Evite la formación de burbujas.

Repita este proceso tres veces para efectuar un total de cuatro ciclos (1 ciclo = 1 aspiración y 1 dispensación).

NOTA: Si la absorción de ADNg se estanca debido a alta viscosidad, para extraer el ADNg puede ser necesario remover suavemente mientras se suelta el émbolo poco a poco.

47. Coloque el tubo estándar de 2,0 ml que contiene el ADNg en la gradilla del mezclador de muestras del HulaMixer y hágalo girar a temperatura ambiente durante una hora a 15 rpm.

NOTA: Durante las rotaciones iniciales, asegúrese de que se extraiga el ADNg del fondo del tubo para que quede en la tapa del tubo al girar. Si la solución de ADN permanece en el fondo del tubo durante las primeras rotaciones, apague el HulaMixer y coloque la gradilla de modo que el tubo quede orientado boca abajo. Dé un golpecito suavemente con los dedos al fondo del tubo hasta que el ADNg llegue a la tapa y reanude la mezcla.

48. Retire el tubo del HulaMixer y centrifúguelo en la microcentrífuga durante dos segundos para arrastrar el ADNg hasta el fondo del tubo.

49. Deje que el ADNg se atempere durante la noche a temperatura ambiente (25 °C) para homogeneizarlo.

NOTA: La mayoría de las muestras pueden marcarse al día siguiente o en las 48 horas posteriores al aislamiento del ADNg utilizando el *Protocolo Bionano Prep DLS-G2* (CG-30553-3).

Cuantificación del ADNg (45 minutos)

CUANTIFICACIÓN QUBIT - ENSAYO dsDNA BR

Consulte el manual del usuario del kit de análisis Qubit dsDNA BR para obtener detalles del kit y siga los métodos descritos en la sección «Pipeteo de ADNg viscoso» para garantizar un pipeteado preciso del ADNg viscoso».

1. Atempere los patrones del kit de análisis Qubit BR a temperatura ambiente.

NOTA: Si el ADNg se ha almacenado a 4 °C, dé un golpe de centrifuga y atempere a temperatura ambiente antes de pasar al siguiente paso.

2. Agregue tampón Qubit BR a los tubos de ensayo Qubit de 0,5 ml:

- a. Por cada muestra, agregue 18 µl de tampón Qubit BR a tres tubos de ensayo Qubit separados.
- b. En cuanto a los patrones Qubit, agregue 10 µl de tampón Qubit BR a dos tubos de ensayo Qubit separados.

3. Con una pipeta de 200 µl con punta de diámetro ancho, mezcle suavemente todo el volumen de muestra de ADNg pipeteando arriba y abajo cinco veces, prestando atención a no generar burbujas.

4. Usando una nueva punta estándar o una punta de una pipeta de desplazamiento positivo para cada extracción:

Tome alícuotas de 2 µl en el lado izquierdo, centro y derecho de cada muestra y dispénelas en el tampón BR del tubo de ensayo Qubit correspondiente, enjuagando la punta al dispensar. Coloque los tubos de ensayo en una gradilla flotante y sonique durante 10 minutos. Ejecute los Pasos 5 y 6 durante la sonicación.

NOTA: Si no se dispone de un baño ultrasónico, agite en el vórtex durante al menos 30 segundos a la velocidad máxima y, a continuación, reduzca la velocidad de centrifugado brevemente durante dos segundos.

5. Prepare la solución de trabajo diluyendo el colorante en el tampón de dilución BR (1:200):

- a. 200 µl de solución de trabajo para cada uno de los dos patrones (400 µl en total).
- b. 200 µl de solución de trabajo por cada alícuota de muestra (600 µl por cada muestra).

6. En cuanto a los patrones de ADN Qubit, agregue 10 µl de los patrones 1 y 2 a los tubos Qubit que contienen el tampón BR del Paso 2b.

7. Una vez que se complete la sonicación, tome los tubos Qubit y dé un golpe de centrifuga breve. Agite los tubos en el vórtex durante cinco segundos a velocidad máxima, a continuación, dé un nuevo golpe de centrifuga.
8. Agregue 180 µl de la solución de trabajo a cada alícuota de ADN sonicada y cada alícuota del patrón de ADN Qubit. Agite en el vórtex durante cinco segundos y dé un golpe de centrifuga a los tubos.
9. Incube las muestras durante al menos dos minutos, a continuación, léelas en el fluorímetro Qubit. Registre los valores en la **Tabla 3**.
10. Calcule el CV = desviación típica/media de cada muestra y anótelos en la **Tabla 3**.

NOTA: Si el CV >0,30, mezcle suavemente pipeteando todo el volumen de ADNg cinco veces (1 vez = 1 aspiración + 1 dispensación) **utilizando una punta de diámetro ancho**. Deje reposar el ADNg durante toda la noche a temperatura ambiente para luego repetir la cuantificación y efectuar el marcado DLS al día siguiente. Las concentraciones normales de ADN oscilan entre 45 y 90 ng/µl.

Tabla 3. Hoja de trabajo para cuantificación del ADNg (BR dsDNA)

ID de la muestra	Izquierda (ng/µl)	Centro (ng/µl)	Derecha (ng/µl)	CV (desviación típica/media)

MARCAJE

Las muestras de ADNg están listas para el marcaje directo y la tinción (DLS) en las 48 horas siguientes al aislamiento. Consulte las secciones «Kits de preparación de muestras» e «Instrumentos y consumibles» en <https://bionano.com/support/> para conocer los kits y protocolos aplicables.

Asistencia técnica

Para obtener asistencia técnica, póngase en contacto con el Soporte técnico de Bionano.

Para consultar documentación sobre los productos Bionano, hojas de datos de seguridad, certificados de análisis, preguntas frecuentes y otros documentos relacionados, visite el sitio web del equipo de asistencia o envíe una solicitud por correo electrónico o teléfono.

TIPO	CONTACTO
Correo electrónico	support@bionano.com
Teléfono	Horario de atención: De lunes a viernes, de 9:00 a 17:00, hora estándar del Pacífico EE. UU.: +1 (858) 888-7663
Sitio web	www.bionano.com/support
Dirección	Bionano, Inc. 9540 Towne Centre Drive, Suite 100 San Diego, CA 92121

Aviso legal

Uso exclusivo para fines de investigación. No debe utilizarse en procedimientos de diagnóstico.

Este material está protegido por las leyes de derechos de autor de Estados Unidos y tratados internacionales. Se prohíbe el uso no autorizado de este material. Ninguna parte de la publicación puede copiarse, reproducirse, distribuirse, traducirse, someterse a ingeniería inversa ni transmitirse de ninguna forma ni por ningún medio o método, ya sea conocido o desconocido, sin el permiso previo, expreso y por escrito de Bionano Genomics. Copiar, según la ley, incluye traducir a otro idioma o formato. La información técnica que se incluye en este documento está destinada a ser utilizada para los destinos finales permitidos por la ley de EE. UU. Se prohíbe cualquier desviación contraria a la ley de EE. UU. Este documento representa la información más reciente disponible en el momento de su publicación. Debido a los esfuerzos continuos para mejorar el producto, pueden producirse cambios técnicos que no estén recogidos en este documento. Bionano Genomics se reserva el derecho de realizar cambios en las especificaciones y en el resto de la información contenida en esta publicación en cualquier momento y sin previo aviso. Póngase en contacto con el Servicio de atención al cliente de Bionano Genomics para obtener la información más reciente.

BIONANO GENOMICS RENUNCIA A TODAS LAS GARANTÍAS CON RESPECTO A ESTE DOCUMENTO, EXPRESAS O IMPLÍCITAS, INCLUIDAS, ENTRE OTRAS, LAS DE COMERCIALIZACIÓN O IDONEIDAD PARA UN PROPÓSITO EN PARTICULAR. EN LA MAYOR MEDIDA PERMITIDA POR LA LEY, BAJO NINGUNA CIRCUNSTANCIA BIONANO GENOMICS SERÁ RESPONSABLE, YA SEA POR CONTRATO, AGRAVIO, GARANTÍA, O CONFORME A CUALQUIER ESTATUTO O CUALQUIER OTRO FUNDAMENTO DE DAÑOS ESPECIALES, INCIDENTALES, INDIRECTOS, PUNITIVOS, MÚLTIPLES O EMERGENTES RELACIONADOS CON O DERIVADOS DE ESTE DOCUMENTO, INCLUIDO, ENTRE OTROS, SU USO, SEAN PREVISIBLES O NO E INDEPENDIENTEMENTE DE QUE BIONANO GENOMICS ESTÉ INFORMADO DE LA POSIBILIDAD DE TALES DAÑOS.

Patentes

Los productos de Bionano Genomics® pueden estar cubiertos por una o varias patentes estadounidenses o extranjeras.

Marcas comerciales

El logotipo de Bionano Genomics y los nombres de los productos o servicios de Bionano Genomics son marcas comerciales registradas o marcas comerciales propiedad de Bionano Genomics en Estados Unidos y en otros países.

Bionano™, Bionano Genomics®, Saphyr®, Saphyr Chip®, Bionano Access™, y Bionano EnFocus™ son marcas comerciales de Bionano Genomics, Inc. Todas las demás marcas comerciales son propiedad exclusiva de sus respectivos titulares.

No se otorga ni está implícita ninguna licencia para utilizar ninguna marca comercial de Bionano Genomics. Los usuarios no están autorizados a utilizar estas marcas sin el consentimiento previo por escrito de Bionano Genomics. El uso de estas marcas registradas o de cualquier otro material, excepto en la medida en que lo

permita este documento, está expresamente prohibido y puede infringir las leyes federales u otras leyes aplicables.

© Copyright 2023 Bionano Genomics, Inc. Todos los derechos reservados.